

Nom de famille :



Prénom(s) :

Numéro Candidat :

Né(e) le :  /  /

(Le numéro est celui qui figure sur la convocation ou la feuille d'émargement)

**CONSIGNES**

- Remplir soigneusement, sur CHAQUE feuille officielle, la zone d'identification en MAJUSCULES.
- Ne pas signer la composition et ne pas y apporter de signe distinctif.
- Rédiger avec un stylo à encre foncée (bleue ou noire) ; éviter le stylo plume à encre noire.
- N'effectuer aucun collage ou découpage de sujets ou de feuille officielle. Ne joindre aucun brouillon.



Document réponse de :   PHYS  SVT  NSI  SI  MATHS

**Document réponse du sujet de Numérique et Sciences Informatiques**

- I-1. Ordre 1 : (r1), (r2), (r3), (r4), (r5)  pas d'erreur  erreur  
*à utiliser seulement si vous vous êtes trompé au-dessus*  pas d'erreur  erreur
- Ordre 2 : (r1), (r5), (r4), (r3), (r2)  pas d'erreur  erreur  
*à utiliser seulement si vous vous êtes trompé au-dessus*  pas d'erreur  erreur
- Ordre 3 : (r2), (r3), (r4), (r5), (r1)  pas d'erreur  erreur  
*à utiliser seulement si vous vous êtes trompé au-dessus*  pas d'erreur  erreur
- Ordre 4 : (r5), (r1), (r4), (r2), (r3)  pas d'erreur  erreur  
*à utiliser seulement si vous vous êtes trompé au-dessus*  pas d'erreur  erreur

I-2. (a) *Le résultat ne peut pas être vide ; la table ingredient contient au moins un enregistrement et la contrainte de clé étrangère impose que la valeur de l'attribut ingredient.id\_plat existe parmi les valeurs de l'attribut plat.id\_plat. ....*

(b) *Le résultat ne peut pas être vide ; la table ingredient contient au moins un enregistrement et toute valeur de ingredient.id\_plat doit exister avant à un ajout dans la table ingredient parmi les valeurs de l'attribut plat.id\_plat du fait de la contrainte de clé étrangère. ....*

I-3. ...①... *ingredient* ..... ②... = ..... ③... *OR* .....  
 ...④... *JOIN analysenutri ON ingredient.id\_ingr = analysenutri.id\_ingr* ...

I-4. ...①... *ingredient* ..... ②... *ingredient.id\_plat* .....  
 ...③... *analysenutri* .....  
 ...④... *ingredient.id\_ingr = analysenutri.id\_ingr* .....

I-5. ...①... *{ 'glucides' : 0, 'lipides' : 0, 'proteines' : 0 }* .....  
 ...②... *res[ k ]* ..... ③... *anutri[ k ]* ..... ④... *comp* .....

